



# Introduction à R





# Plan

## Manipulations élémentaires

- Vecteurs et tableaux de données
- Graphisme

## Structures de contrôle

- Exécution conditionnelle
- Boucles
- Fonctions

## Algèbre

- Vecteurs
- Matrices



# Plan

## Manipulations élémentaires

Vecteurs et tableaux de données

Graphisme

## Structures de contrôle

Exécution conditionnelle

Boucles

Fonctions

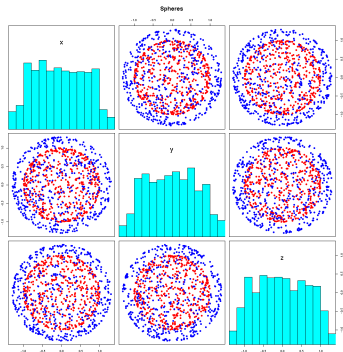
## Algèbre

Vecteurs

Matrices



- logiciel de statistique et de visualisation
- langage de programmation (proche de S)
- logiciel libre multi-plateformes (Linux, MacOS X, Windows)
- extensible par *packages*





# Principes

- console interactive (lancée avec la commande `R`)
- manipulation d'**objets** :
  - vecteur
  - matrices
  - tableaux de données
  - listes
  - etc.
- liste des objets : `ls()`
- exécution d'un ensemble de commande : `source("script.R")`
- sauvegarde des affichages : `sink("sauvegarde.Rout")`
- aide : `?truc` affiche l'aide sur `truc`



ls

package:base

R Documentation

List Objects

Description:

'ls' and 'objects' return a vector of character strings giving the names of the objects in the specified environment. When invoked with no argument at the top level prompt, 'ls' shows what data sets and functions a user has defined. When invoked with no argument inside a function, 'ls' returns the names of the functions local variables. This is useful in conjunction with 'browser'.

Usage:

```
ls(name, pos = -1, envir = as.environment(pos),  
    all.names = FALSE, pattern)  
objects(name, pos = -1, envir = as.environment(pos),  
         all.names = FALSE, pattern)
```



## ■ objet le plus simple

```
>x=c(1,2)
>ls()
[1] "x"
> x
[1] 1 2
> class(x)
[1] "numeric"
```

## ■ = : affectation (aussi <- qui est plus lisible)

## ■ c : concaténation

## ■ modifications

```
>x[1] <- 3
x
[1] 3 2
```



## ■ *Data Frame*

```
>data(iris)
>ls()
[1] "iris"
>class(iris)
[1] "data.frame"
```

## ■ dimensions

```
>dim(iris)
[1] 150  5
```

150 observations pour 5 variables

## ■ chaque colonne (variable) est nommée

```
> names(iris)
[1] "Sepal.Length" "Sepal.Width" "Petal.Length"
[4] "Petal.Width"  "Species"
```





## ■ accès au contenu

```
> class(iris$Sepal.Length)
[1] "numeric"
> length(iris$Sepal.Length)
[1] 150
> iris$Sepal.Length[10]
[1] 4.9
```

valeur de la variable *Sepal Length* pour la dixième observation

## ■ une observation

```
> iris[10,]
   Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length  Petal.Width Species
10           4.9         3.1         1.5         0.1   setosa
```

ou une valeur

```
> iris[10,3]
[1] 1.5
```



# Variables nominales

## ■ *Factor*

```
> class(iris$Species)
[1] "factor"
> levels(iris$Species)
[1] "setosa"      "versicolor" "virginica"
> class(levels(iris$Species))
[1] "character"
```

variable nominale à trois modalités

## ■ une valeur

```
> iris$Species[2]
[1] setosa
Levels: setosa versicolor virginica
```

## ■ distribution des modalités

```
> summary(iris$Species)
  setosa versicolor  virginica 
     50         50         50
```



### ■ moyenne `mean()` et médiane `median()`

```
> mean(iris$Sepal.Width)
[1] 3.057333
> median(iris$Petal.Length)
[1] 4.35
```

### ■ plusieurs variables simultanément

```
> mean(iris[1:3])
Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length
5.843333      3.057333      3.758000
```

### ■ remarque : `a:b` : tous les entiers entre `a` et `b`

```
>-3:6
[1] -3 -2 -1  0  1  2  3  4  5  6
```

### ■ écart type `sd()` et variance `var()`

```
> sd(iris$Petal.Width)
[1] 0.7622377
```



## ■ opérateurs « terme à terme »

```
> x <- c(3,4)
> y <- c(-2,5)
> x+y
[1] 1 9
> x*y
[1] -6 20
```

## ■ réutilisation

```
>x-1
[1] 2 3
> z <- 1:3
> z
[1] 1 2 3
> z-x
[1] -2 -2 0
```

Warning message:

```
la longueur de l'objet le plus long n'est pas un multiple de
la longueur de l'objet le plus court in: z - x
```



# Calcul vectoriel et tableaux de données

## ■ sous-tableau

```
> class(iris[1])  
[1] "data.frame"
```

## ■ colonne

```
> class(iris[[1]])  
[1] "numeric"
```

## ■ application : calcul de l'écart type

```
> sqrt(sum((iris[[1]]-mean(iris[[1]]))^2)/(length(iris[[1]])-1))  
[1] 0.8280661  
> sd(iris[[1]])  
[1] 0.8280661
```

## ■ corrélation

```
> cor(iris[1:2])  
  
                Sepal.Length Sepal.Width  
Sepal.Length    1.0000000    -0.1175698  
Sepal.Width     -0.1175698    1.0000000
```

**exercice** : calcul de la corrélation



### ■ résumé d'un tableau de donnée

```
> summary(iris)
  Sepal.Length    Sepal.Width    Petal.Length    Petal.Width
Min.      :4.300    Min.      :2.000    Min.      :1.000    Min.      :0.100
1st Qu.:5.100    1st Qu.:2.800    1st Qu.:1.600    1st Qu.:0.300
Median :5.800    Median :3.000    Median :4.350    Median :1.300
Mean   :5.843    Mean   :3.057    Mean   :3.758    Mean   :1.199
3rd Qu.:6.400    3rd Qu.:3.300    3rd Qu.:5.100    3rd Qu.:1.800
Max.   :7.900    Max.   :4.400    Max.   :6.900    Max.   :2.500

  Species
setosa      :50
versicolor:50
virginica   :50
```

### ■ ou d'une seule variable

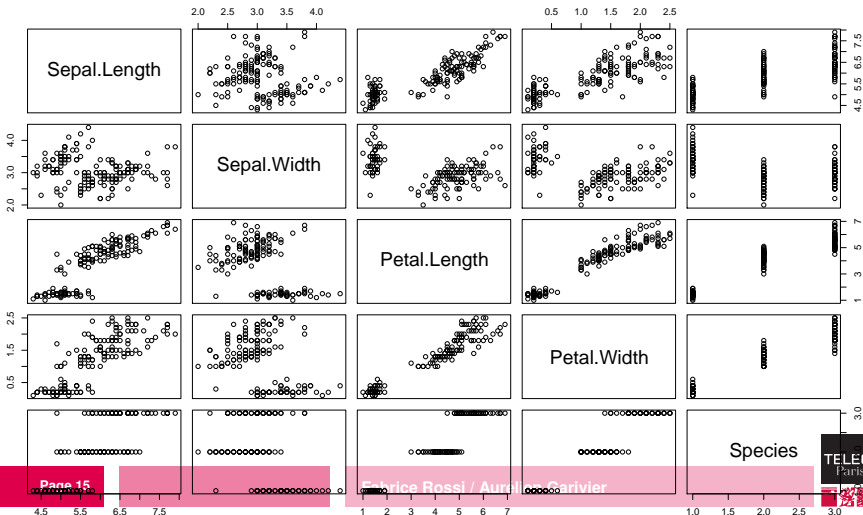
```
> summary(iris$Petal.Length)
  Min. 1st Qu.  Median    Mean 3rd Qu.    Max.
1.000  1.600   4.350   3.758  5.100   6.900
```



# Diagramme de dispersion

Affichage d'un tableau de données

```
>plot(iris)
```

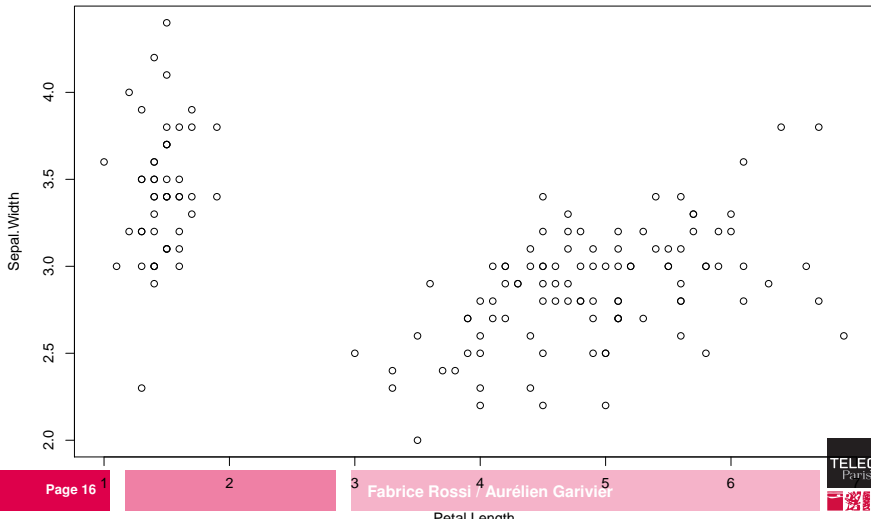




# Diagramme de dispersion

## Deux variables seulement

```
>plot(iris[c(3,2)])
```



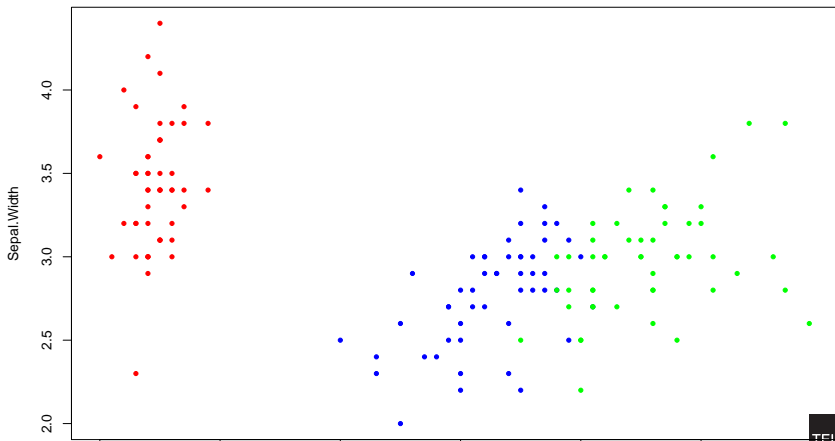




# Diagramme de dispersion

## Un peu de couleur

```
>plot(iris[c(3,2)],pch=20,  
      col=c("red","blue","green")[unclass(iris$Species)])
```





## Sauvegarde d'un graphique

- R permet très simplement la sauvegarde de ses sorties graphiques pour qu'ils soient intégrables dans vos documents / présentations
- pour sauvegarder le graphe créé par la commande `plot(...)` dans le fichier "monFichier.pdf", il suffit de faire :

```
> pdf("monFichier.pdf")  
> plot(...)  
> dev.off();
```
- d'autres formats de sauvegarde sont également disponibles : png, xfig, etc... : cf `help(Devices)`



# Indexation

- $x[y]$  : contenu de  $x$  réordonné selon  $y$

```
> x <- 10:15
> x
[1] 10 11 12 13 14 15
> y <- c(1,3,2)
> y
[1] 1 3 2
> x[y]
[1] 10 12 11
> x[c(4,4)]
[1] 13 13
```

- $x[-y]$  : éléments de  $x$  dont les indices ne sont pas dans  $y$

```
> x[-y]
[1] 13 14 15
```

- $x[t]$  : éléments de  $x$  pour lesquels  $t$  est TRUE

```
> x>12
[1] FALSE FALSE FALSE TRUE TRUE TRUE
> x[x>12]
```

```
[1] 13 14 15
```



## Exercices

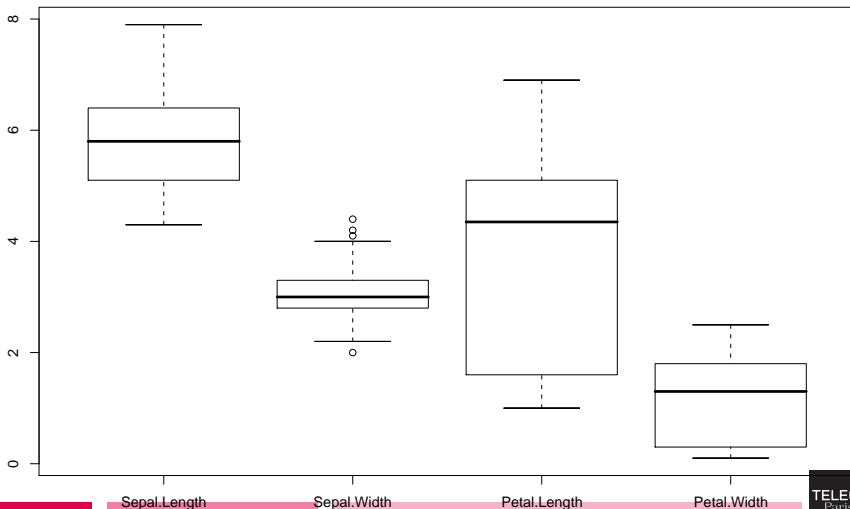
- afficher seulement les classes "setosa" et "virginica"
- fusionner les classes "versicolor" et "virginica" dans l'affichage en couleur
- afficher les points dont une coordonnée est à plus d'un écart-type de la moyenne correspondante
- éléments utiles :
  - opérateurs logiques : | ou, & et
  - comparaison à une valeur nominale : `x=="setosa"` ou `x!="setosa"`





# Boîte à moustaches

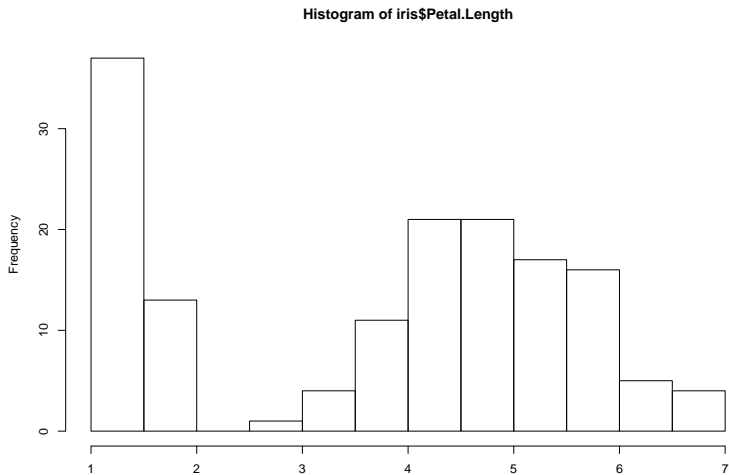
```
>boxplot(iris[1:4])
```





# Histogramme

```
>hist (iris$Petal.Length)
```





# Histogrammes

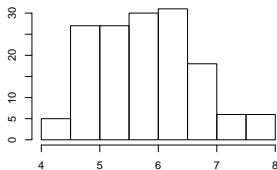
## ■ combinaison de plusieurs graphiques

```
>par(mfrow=c(2,2))
```

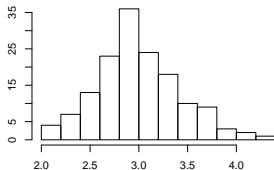
deux lignes et deux colonnes

## ■ boucle

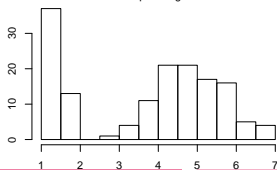
```
> for(i in 1:4) { hist(iris[[i]],xlab=names(iris)[i],main="") }
```



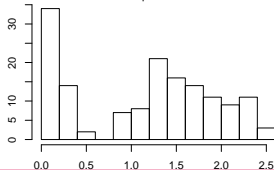
Sepal.Length



Sepal.Width



Petal.Length



Petal.Width





# Exercice

- `data()` : donne la liste des données disponibles
- **exercice** :
  - charger un tableau de données
  - comprendre sa structure et son contenu



# Plan

## Manipulations élémentaires

Vecteurs et tableaux de données

Graphisme

## Structures de contrôle

Exécution conditionnelle

Boucles

Fonctions

## Algèbre

Vecteurs

Matrices



# Exécution conditionnelle

## ■ if

```
>x <- c(1,3)
>if(x[1]<x[2]) print(x[2])
[1] 3
```

## ■ if else

```
>x <- c(1,3)
>if(x[1]>x[2]) print(x[2]) else print(x[1])
[1] 1
```

## ■ ifelse

```
> x <- 1:4
> x
[1] 1 2 3 4
> y <- 5:8
> y
[1] 5 6 7 8
> t <- c(T,T,F,T)
> t
[1] TRUE TRUE FALSE TRUE
> ifelse(t,x,y)
[1] 2 7 4
```



# Boucles

for

```
> for(i in 1:4) { print(i) }
[1] 1
[1] 2
[1] 3
[1] 4
> for(u in c(3,-2,5)) { print(u) }
[1] 3
[1] -2
[1] 5
> for(species in levels(iris$Species)) {
  print(paste(species,sum(iris$Species==species)))
}
[1] "setosa 50"
[1] "versicolor 50"
[1] "virginica 50"
```



# Boucles

## ■ while

```
> i <- 10
> while(i<15) { print(i) ; i <- i+1}
[1] 10
[1] 11
[1] 12
[1] 13
[1] 14
```

## ■ repeat

```
> i <- 15
> repeat { print(i) ; i <- i%%2 ; if (i<=0) break }
[1] 15
[1] 7
[1] 3
[1] 1
```



## Exercices

- calculer la somme du contenu d'un tableau par une boucle
- calculer l'élément le plus petit d'un tableau par une boucle
- programmer l'équivalent de `ifelse` grâce à une boucle



## ■ les fonctions sont des objets

```
> f <- function(x) { x^2 }  
> class(f)  
[1] "function"  
> f(2)  
[1] 4
```

## ■ paramètres nommés (pas de type)

```
> g <- function(a,b) { a+b }  
> g(1,2)  
[1] 3  
> g(1:2, 3:4)  
[1] 4 6
```

## ■ le résultat est la dernière valeur calculée

```
> h <- function(a) { 2*a ; a-1 }  
> h(1:2)  
[1] 0 1
```



# Plan

## Manipulations élémentaires

- Vecteurs et tableaux de données
- Graphisme

## Structures de contrôle

- Exécution conditionnelle
- Boucles
- Fonctions

## Algèbre

- Vecteurs
- Matrices





# Calcul vectoriel

## ■ combinaison linéaire

```
> x <- 1:3
> y <- c(-1,2,4)
> x+0.5*y
[1] 0.5 3.0 5.0
```

## ■ produit scalaire :

```
> z <- x%*%y
> z
      [,1]
[1,]    15
> class(z)
[1] "matrix"
> dim(z)
[1] 1 1
> sum(x*y)
[1] 15
```

## ■ norme :

```
> sqrt(sum(x^2))
[1] 3.741657
```



# Matrices

## ■ création

```
> A <- matrix(1:6,ncol=2,nrow=3)
> A
      [,1] [,2]
[1,]    1    4
[2,]    2    5
[3,]    3    6
```

le stockage se fait colonne par colonne

## ■ informations

```
> class(A)
[1] "matrix"
> dim(A)
[1] 3 2
```

## ■ accès au contenu

```
> A[1,]
[1] 1 4
> A[1,2]
[1] 4
> A[1,]
[1] 1 4
> A[,2]
[1] 4 5 6
```

indexation similaire à celle des tableaux / Aurélien Garivier



## ■ combinaison linéaire

```
> 2*A
      [,1] [,2]
[1,]    2    8
[2,]    4   10
[3,]    6   12
```

## ■ produit

```
> u <- c(-1,0.5)
> A%*%u
      [,1]
[1,]  1.0
[2,]  0.5
[3,]  0.0
```

## ■ attention aux opérations « terme à terme »

```
> A*A
      [,1] [,2]
[1,]    1   16
[2,]    4   25
[3,]    9   36
```



## ■ transposition

```
> t(A)
      [,1] [,2] [,3]
[1,]    1    2    3
[2,]    4    5    6
```

## ■ résolution d'un système

```
> B <- A[1:2,1:2]
> B
      [,1] [,2]
[1,]    1    4
[2,]    2    5
> v <- solve(B,u)
> v
[1]  2.3333333 -0.8333333
> B%*%v
      [,1]
[1,] -1.0
[2,]  0.5
```



# Matrices et tableaux de données

- `as.matrix(T)` transforme un tableau de données `T` en une matrice
- délicat en raison du type des variables

```
> M <- as.matrix(iris)
> dim(M)
[1] 150 5
> class(M)
[1] "matrix"
> M[1,]
Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
           "5.1"           "3.5"           "1.4"           "0.2"           "setosa"
> class(M[1,])
[1] "character"
```

la conversion est uniforme : ici en texte

- solution possible : bloc par bloc

```
> M <- as.matrix(iris[1:4])
> M[1,]
Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width
           5.1           3.5           1.4           0.2
> class(M[1,])
[1] "numeric"
```



Toujours écrire la solution sous forme d'une ou plusieurs fonctions

- programmer une régression linéaire simple
- programmer une régression linéaire pour plusieurs variables explicatives en utilisant le fait qu'une solution de

$$X^T X u = X v$$

s'obtient en R par

```
> X.qr <- qr(X)
> u <- qr.coeff(X.qr, v)
```